

Carta al editor

Identificación de los biomarcadores sanguíneos: cáncer gástrico

Letter to the editor

Identification of blood biomarkers: gastric cancer

Marsyori Anarosa Flores-Guerra,¹  Leslie Katty Lévano-Arias,¹  Julia Cecilia Morón-Valenzuela,¹ 
José Fernando Salvador-Carillo.^{1*} 

ACCESO ABIERTO

Citación:

Flores-Guerra MA, Lévano-Arias LK, Morón-Valenzuela JC, Salvador-Carillo JF. Carta al editor. Identificación de los biomarcadores sanguíneos: cáncer gástrico. Rev Colomb Gastroenterol. 2020;35(3):394-395. <https://doi.org/10.22516/25007440.602>

Palabras clave: cáncer gástrico, prevención, genes.

Keywords: Gastric cancer; Prevention; Genes.

¹ Escuela Profesional de Medicina Humana, Universidad Privada San Juan Bautista, Filial Chincha, Perú.

*Correspondencia:

José Fernando Salvador-Carillo
jose.salvador@upsjb.edu.pe

Fecha recibido: 26/06/20
Fecha aceptado: 30/07/20



Señor editor:

Hemos leído con interés el artículo publicado por Gómez y colaboradores (1) en el cual se menciona que se han identificado biomarcadores sanguíneos que permiten distinguir diferentes estadios del desarrollo del cáncer gástrico. Se reporta que existen 48 genes que permiten discriminar a aquellos pacientes con gastritis crónica de los pacientes con cáncer gástrico. Asimismo, se documentan 14 genes que diferencian las patologías de cáncer difuso con las de tipo intestinal, y un grupo de 48 genes que distinguen la gastritis crónica de la metaplasia intestinal en los pacientes evaluados.

Sin embargo, nos gustaría preguntar por qué no se pudieron identificar cuáles son los genes que posibilitan distinguir estas patologías. En el trabajo se menciona que el ARN extraído fue evaluado en la última versión de microarrays de todo el genoma humano (2). Esta técnica puede identificar qué genes tienen una expresión genética alterada en los pacientes evaluados. No obstante, no queda claro por qué no se mencionan dichos genes.

Esto se torna crítico en un escenario en el que las publicaciones que evalúan biomarcadores para el cáncer gástrico en la población latinoamericana son limitadas. La identificación de los genes encontrados podría direccionar esfuerzos de la comunidad científica para continuar estudios sobre la comprensión del desarrollo del cáncer gástrico en la población latina. Por ejemplo, un reciente trabajo encontró que algunos polimorfismos de las interleucinas IL-10 e IL-4 podrían estar asociados al cáncer gástrico en la población colombiana (3).

El estudio en mención presenta un hallazgo significativo para la detección de lesiones premalignas y el diagnóstico del cáncer gástrico. Sin embargo, no podemos dar continuidad a los resultados del trabajo sin esta valiosa información.

Agradecimientos

Los autores agradecen a la Escuela Profesional de Medicina Humana de la Universidad Privada San Juan Bautista por brindar el soporte necesario, a fin de elaborar la presente carta al editor.

Conflicto de interés

Declaramos que no tenemos ningún conflicto de interés.

REFERENCIAS

1. Gómez MA, Torres KE, Falduto MT, Magnuson SR. Identificación de biomarcadores sanguíneos para la detección de lesiones premalignas y el diagnóstico del cáncer gástrico. *Rev Col Gastroenterol.* 2017;31(2):7-19. <https://doi.org/10.22516/25007440.124>
2. MAQC Consortium, Shi L, Reid LH, Jones WD, Shippy R, Warrington JA, Baker SC, Collins PJ, de Longueville F, Kawasaki ES, Lee KY, Luo Y, Sun YA, Willey JC, Setterquist RA, Fischer GM, Tong W, Dragan YP, Dix DJ, Frueh FW, Goodsaid FM, Herman D, Jensen RV, Johnson CD, Lobenhofer EK, Puri RK, Schrf U, Thierry-Mieg J, Wang C, Wilson M, Wolber PK, Zhang L, Amur S, Bao W, Barbacioru CC, Lucas AB, Bertholet V, Boysen C, Bromley B, Brown D, Brunner A, Canales R, Cao XM, Cebula TA, Chen JJ, Cheng J, Chu TM, Chudin E, Corson J, Corton JC, Croner LJ, Davies C, Davison TS, Delenstarr G, Deng X, Dorris D, Eklund AC, Fan XH, Fang H, Fulmer-Smentek S, Fuscoe JC, Gallagher K, Ge W, Guo L, Guo X, Hager J, Haje PK, Han J, Han T, Harbottle HC, Harris SC, Hatchwell E, Hauser CA, Hester S, Hong H, Hurban P, Jackson SA, Ji H, Knight CR, Kuo WP, LeClerc JE, Levy S, Li QZ, Liu C, Liu Y, Lombardi MJ, Ma Y, Magnuson SR, Maqsoodi B, McDaniel T, Mei N, Myklebost O, Ning B, Novoradovskaya N, Orr MS, Osborn TW, Papallo A, Patterson TA, Perkins RG, Peters EH, Peterson R, Philips KL, Pine PS, Puztai L, Qian F, Ren H, Rosen M, Rosenzweig BA, Samaha RR, Schena M, Schroth GP, Shchegrova S, Smith DD, Staedtler F, Su Z, Sun H, Szallasi Z, Tezak Z, Thierry-Mieg D, Thompson KL, Tikhonova I, Turpaz Y, Vallanat B, Van C, Walker SJ, Wang SJ, Wang Y, Wolfinger R, Wong A, Wu J, Xiao C, Xie Q, Xu J, Yang W, Zhang L, Zhong S, Zong Y, Slikker W Jr. The MicroArray Quality Control (MAQC) project shows inter- and intraplatform reproducibility of gene expression measurements. *Nat Biotechnol.* 2006;24(9):1151-61. <http://doi.org/10.1038/nbt1239>
3. Cárdenas DM, Sánchez AC, Rosas DA, Rivero E, Paporoni MD, Cruz MA, Suárez YP, Galvis NF. Preliminary analysis of single-nucleotide polymorphisms in IL-10, IL-4, and IL-4Ra genes and profile of circulating cytokines in patients with gastric Cancer. *BMC Gastroenterol.* 2018;18(1):184. <http://doi.org/10.1186/s12876-018-0913-9>